

Przedmiot:	Diagnostyka molekularna w weterynarii
Wymiar ECTS	2
Status	fakultet do wyboru
Forma zaliczenia końcowego	zaliczenie na ocenę
Wymagania wstępne	zaliczenie przedmiotu: Biologia komórki; Genetyka ogólna i weterynaryjna

Kierunek studiów:	weterynaria
Profil studiów	praktyczny
Kod formy studiów oraz poziomu studiów	SJ
Semestr studiów	10
Język wykładowy	polski

Prowadzący przedmiot:

Nazwa jednostki właściwej Wydział Hodowli i Biologii Zwierząt
dla koordynatora

Efekty uczenia się

Kod składnika opisu	Opis	Odniesienie do (kod)	
		efektu kierunkowego	dyscypliny
WIEDZA - zna i rozumie:			
WDM_W1	zmiany spowodowane chorobami o podłożu genetycznym	A.W1	WW
WDM_W2	porusza się po bazach danych w, których zdeponowano informacje dotyczące molekularnych podstaw jednostek chorobowych	C.W1	WW
WDM_W3	wyniki reakcji PCR, RFLP	B.W6	WW
WDM_W4	kariotypy zwierząt gospodarskich	B.W11	WW
UMIEJĘTNOŚCI - potrafi:			
WDM_U1	opisywać zmiany charakterystyczne dla danej jednostki chorobowej	A.U14	WW
WDM_U2	odszukuje informacji dotyczących testów na nosicielstwo jednostki chorobowej	C.U1	WW
WDM_U3	przeprowadzić wywiad lekarsko-weterynaryjny, w celu uzyskania dokładnej informacji o pojedynczym zwierzęciu lub grupie zwierząt oraz pokrewieństwa między nimi	B.U2	WW
WDM_U4	pobierać, zabezpieczać próbki oraz wykonywać standardowe testy laboratoryjne, a także prawidłowo analizować wyniki badań laboratoryjnych	B.U6	WW
KOMPETENCJE SPOŁECZNE OGÓLNE - jest gotów do: O.K1; O.K8			

Treści kształcenia:

Ćwiczenia laboratoryjne	30	godz.
	Wady genetyczne zwierząt gospodarskich i towarzyszących oraz sposoby ich identyfikacji (10,5h)	
Tematyka zajęć	Identyfikacja zmian chromosomowych w kariotypach zwierząt gospodarskich i towarzyszących (10,5h)	
	Narzędzia molekularne wykorzystywane w sądownictwie – kontrola pochodzenia, identyfikacja śladów biologicznych, identyfikacja pochodzenia produktów oraz ich przynależności gatunkowej (9h)	
Realizowane efekty uczenia się	WDM_W1, WDM_W2, WDM_W3, WDM_W4, WDM_U1, WDM_U2, WDM_U3, WDM_U4	

Sposoby weryfikacji oraz zasady i kryteria oceny

Zaliczenie ćwiczeń (zadania wykonywane na ćwiczeniach - prawidłowe wykonanie doświadczeń w laboratorium (PCR, PCR-RFLP, przygotowanie próbek do sekwencjonowania SANGERA), poprawne wykonanie analizy bioinformatycznej otrzymanych plików sekwencyjnych. Zaliczenie praktyczne bloków tematycznych będzie polegało na wykonaniu 5 zadań (5 poprawnie wykonanych –b.dobry; 4 poprawnie wykonane –dobry; 3 poprawnie wykonane – dostateczny) ocena z doświadczeń stanowi 40% oceny końcowej. Test zaliczeniowy złożony z pytań otwartych oraz pytań jednokrotnego wyboru Student aby uzyskać zaliczenie musi mieć 60-65% odpowiedzi prawidłowych – ocena dostateczna; 66-75% – dostateczny plus; 76-85% – dobry; 86-94% - dobry plus; 95-100% - bardzo dobry Ocena z testu stanowi 60% oceny końcowej.

Literatura:

Podstawowa	K. Charon, M. Świtoński .: Genetyka zwierząt, PWN 2004 Postępy genetyki molekularnej bydła i trzody chlewnej - pod red. M. Świtońskiego PWN 2004
Uzupełniająca	Bazy danych nukleotydowych (ENSEMBL, NCBI), internetowe bazy danych

Struktura efektów uczenia się:

Dyscyplina	Dziedzina nauk weterynaryjnych, dyscyplina: weterynaria	2,0	ECTS
Dyscyplina			

Struktura aktywności studenta:

zajęcia realizowane z bezpośrednim udziałem prowadzącego	36	godz.	1,5	ECTS
w tym:				
wykłady	0	godz.		
ćwiczenia i seminaria	30	godz.		
konsultacje	2	godz.		
udział w badaniach	0	godz.		
obowiązkowe praktyki i staże	0	godz.		
udział w egzaminie i zaliczeniach	4	godz.		
zajęcia realizowane z wykorzystaniem metod i technik kształcenia na odległość	0	godz.	0,0	ECTS
praca własna	15	godz.	0,5	ECTS